

科研者之家机构版-科研工具平台试用说明

科研者之家是一个全生命周期的生物学领域一站式科研平台，我们致力于为科研工作者提供全方位的科研服务。平台集成了写作辅助工具，统计学工具，文献检索工具，文献阅读平台，文字和图片查重工具（figcheck），学术诚信监测平台，绘图平台（figdraw），课题思路助手、生信分析工具等多种功能。这些工具和服务能够有效帮助科研工作者进行科研分析、科研实施、科研战略等全方位的科研工作。

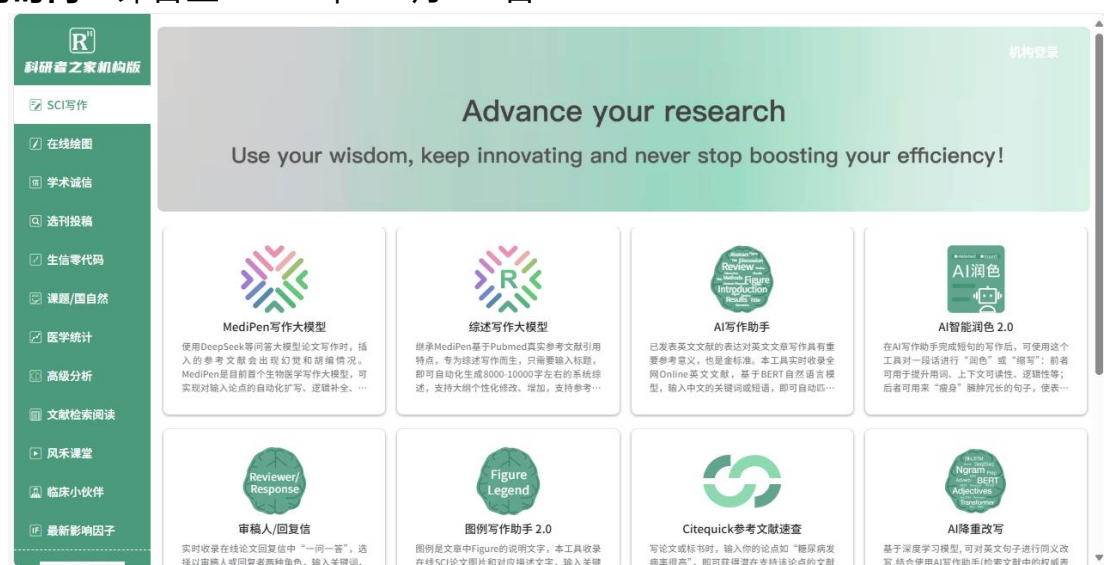
科研者之家推出的科研工具服务平台面向全体研究人员提供服务。该平台整合了多项高效、便捷的科研工具，旨在为本校的研究人员提供全方位的支持。

访问地址：

<https://professional.home-for-researchers.com/org/tongji>

（我校已开通 IP 授权，在 IP 范围内注册使用）

试用时间：即日起至 2026 年 11 月 30 日



平台功能

专项	核心功能	描述
SCI 写作辅助系统	AI 写作助手	基于目前全球准确率最高的自然语言识别模型-BERT 对全网在线 SCI 论文数据进行分析，处理，匹配。为保证数据源的权威性，所有论文均为已在线的 SCI 论文。数据库涵盖所有学科，实时更新入库，目前已收录超过 5 亿条语料。
	自建语料库	根据需要提供用户构建自己的语料库

	我的语料库	查看自己的语料库
	创建专题	建立自己的专题
	AI 自动化降重	采用逆向文本相似度算法, 根据查重报告选择最佳降重方案
	AI 润色	包含输入功能、实时显示翻译结果、润色分析、润色结果、润色翻译。 默认次数 1000 次
	审稿人回信	包含审稿意见、回复建议等
	语法纠错	原文显示区、自研大模型、GHAT4.0 模型
	图例写作工具	实时收录在线 SCI 论文图例数据, 基于关键词检索相关图例语料素材, 可预览图片
	MediPen 写作大模型	首个基于生物医学语料库的大模型, 主要有 4 个特点 1.时效性: 能同步 Pubmed 最新文献数据; 2.准确性: 有依有据, 插入参考文献必须真实; 3.智能化: 自动扩写, 上下文内容逻辑严谨; 4.个性化: 能设置文献发表时间、影响因子; 5.便捷性: 参考文献可方便导入 Endnote 等 默认次数 1000 次
	综述大模型	继承 MediPen 基于 Pubmed 真实参考文献引用特点, 专为综述写作而生, 只需要输入标题, 即可自动化生成 8000-10000 字左右的系统综述, 支持大纲个性化修改、增加, 支持参考文献智能匹配、时间优先、影响因子优先三种模式, 支持导出批量参考文献和综述导出功能。 默认次数 30 次
	AI 降重工具	基于深度学习模型, 可对英文句子进行同义改写, 结合使用 AI 写作助手(检索文献中的权威表达),Crosscheck 查重系统(明确重复内容),可实现精准降重
	场景写作工具	支持写摘要、写背景、写方法、写结果、写讨论、写结论、写致谢、定义术语、回顾文献、描述过去、谨慎评论、批判观点、列举例子、罗列分类、比较对比、主题过渡、基于共识、描述趋势、描述数量、描述因果、全局搜索支持选择不同的写作场景: 突出主题的重要性、提及当前文献、表明认知的差距、本研究的目的、表明所使用的方法、陈述关键发现、

		本研究的意义或价值
	海外邮件智能回复	根据来信，通过智能模型，让用户写出地道的英语回复
	高分 title 生成器	基于高分文献数据库，结合文章摘要，智能生成让审稿人“眼前一亮”的文章标题（Title）。
科研绘图工具	Figdraw2.0 在线绘图	Figdraw 自 2022 年 2 月上线以来，已累计被包括 Nature 在内的 10000+论文引用。平台可对素材进行拖移、拆分、编辑、实现个性化绘制和组图，导出符合学术发表要求的高清、高质量图片。所有素材均由科研者之家绘图部原创制作，正规流程导出后自动授权，无侵权/撤稿风险。 每天导出 5 张图。
实验图处理	实验图处理	支持荧光图背景降噪、WB 图条带灰度计算、批量添加比例尺、transwell 细胞自动计数、细胞划痕试验区域划定、批量细胞计数等功能。
顶刊图复现	顶刊图复现	CNS Replot: TOP 期刊上的数据分析图经常让人眼前一亮，值得借鉴使用。在本工具中，只需参照模版，遵循格式上传数据，即可生成同款高颜值分析图，支持个性化修改后导出。 组间比较: 不同组之间比较是最常见的数据关系展示形式，包括散点多组柱状图、堆积柱状图、柱状哑铃图、双误差棒图、散点小提琴图、多组蜂群图等。 时间趋势: 涉及不同时间的变量变化时可以使用，比如双 Y 轴时间序列曲线图、多组折线图、散点折线图、分段折线图、趋势折线图、生长曲线图等。 组成与比例: 在描述性展示研究对象的数量占比时使用，比如横向百分比堆积柱状图、甜甜圈、百分比柱状图、分面堆积状图、堆积蝴蝶图等。 聚类与降维: 在数据需要聚类或者降维的时候可以考虑使用，比如彩色气泡图、UMAP 降维聚类图、双拼热图等。 相关性分析: 涉及两个或多个变量之间的相关关系时可用，比如三角形相关热图、正方形相关热图、散点图等。 剂量效应与药效: 主要是展示不同药物剂量对研究

		对象的影响，包括剂量效应曲线图、IC50 曲线图等。 富集和功能分析：常见于基因集表达水平在功能通路或信号通路的富集，包括棒棒糖图、气泡图、柱状图等。
国自然专题	标书评审专家	基于 AI 对标书的标书的标题，摘要，立项依据，研究内容、研究方案、研究目标、预期结果，拟解决关键问题、可行性分析，特色与创新进度计划、工作基础，通用写作问题，立项依据参考文献，诚信风险排查，进行评估，并给出修改建议。
	国自然数据分析	收录超 30 年(1989-2025)国家自然科学基金立项标书关键信息，结合多重整合分析，数据图形化展示，历年研究热点和立项标书特点一目了然
	课题思路助手	基于海量文献库，分析与目标相关的基因、信号通路、表型/功能，按年度分析可观察研究进展变化。
	课题思路助手 Plus	实时同步 Pubmed 文献数据，迅速了解某一关键词的文献研究全景，分析与检索词相关基因、信号通路、生物学功能、药物和疾病之间的相互关系。
文献	Medreading	汉化版的 Pubmed，实时同步，增加期刊影响因子、分区筛选，另外丰富文献分析功能和全文求助

		下载功能、学术诚信风险显示
	DiRex 文献检索大模型	基于大模型，输入感兴趣的主题，就会智能搜全，全自动帮助用户总结目标主题全球研究情况，真实参考文献引用，支持筛选期刊类型、发表时间、和文献类型。 点击文中某参考文献序号，可直接定位具体文献详情，点击 doi 或 title 至 pubmed 原文或文献期刊官网。支持总结内容复制、批量下载参考文献和历史记录查询等功能。
	影响因子查询	接入期刊查询，统计期刊影响因子变化，文章发表量、自引率等重要信息。
	SCI 文献阅读助手	可对文献进行分类管理，添加有丰富的注释、笔记功能，每个文献都能创建一个独立的笔记，方便后期总结整理； 增加划词/划句翻译和文献单词收录，同步了数十亿实时更新的文献例句，可以更快、更全面的学习新词生词。
	个性化订阅-每日文献速递	每日监控 Pubmed 全库文献更新，设置追踪策略后，系统每日自动更新过去 24 小时关注领域最新文献（中英对照）； 增加个人收藏夹，对感兴趣的文献进行归类
选刊投稿	期刊查询	共收录 2 万多种期刊的近年影响因子走势、中科院 jcr 分区，历年发表量、国人占比、自引率等重要信息。另外设置评论区，分享交流投稿经验。
	选刊助手	这个工具通过和期刊当前在线的文章的 Title，Keywords，Abstract 比对，匹配期刊数据库，生成综合匹配指数
	24 小时预审稿平台	24 小时预审稿平台（24hReview）是科研者之家与多家期刊、出版社联合创建的创新投稿平台。作者支持计划：如被纳入支持计划的期刊被接收，稿件的润色费、绘图费均全额返还。
	特刊/专刊跟踪	实时追踪数千本常见 SCI 期刊的特刊征集情况，可以通过邮箱订阅更新
科研培训	风云课堂	科研者之家粉丝之间的知识交互和社交平台，不同于传统的论坛形式，这里课程和直播是载体，结识同道，相互学习，共同进步

	国际同行	基于 Online 文献数据库，收纳全球范围不同领域研究专家信息，显示姓名，机构，发文量，影响因子和邮箱地址等，为有研究合作，领域问题咨询，审稿邀请，留学套磁，硕博导师选择提供可用联系渠道
	实验很忙	HR 旗下的试剂耗材查询和订购平台，通过分析海量文献数据,给出客观推荐,同时链接本地可靠的供应商，所有供应商均已提供：营业执照，联系人身份证和相关产品既往交易发票
	科研置换	HR 旗下公益的科研试剂耗材置换平台，目前包括质粒，细胞系，抗体和其他板块。科研者可以发布置换，也可以联系发布者
分析与统计	简明统计学	三线表、两组比较、≥两组比较、生存分析、相关性分析、危险因素分析(森林图)、诊断性分析(ROC 曲线)
	分子对接平台	通过计算机模拟技术，研究分子之间的相互作用过程，提供原子水平的证据可以大幅提高文章含金量。这个工具支持零基础，零代码的，基于靶蛋白的小分子、多肽、蛋白对接分析
生信零代码	TCGA 可视化	收录经典公共数据库样本,采用 R 语言进行分析和可视化处理，无需代码基础，点击即可开展超 50 种生信分析和绘图。 收录数据库：TCGA, GEO, Target, ICGC, CCLE 等，另外还有单细胞分析和免疫治疗队列
	中文版 GEO	
	Target	
	免疫评分 Immunity	
	免疫治疗	
	泛癌分析 Pan-cancer	
	相关性分析	
	单细胞分析 Single-Cell	
	批量生存分析	

	实验数据探索	动态收集了数千个来自文献的细胞系实验结果，即单基因被干预（敲除，敲低，过表达，突变）后的细胞系基因表达谱数据。探索基因间调控关系，主要场景包括“基于单个基因的课题探索”、“多个基因之间的相关探索”和“基于头尾基因对中间调控关系的探索”
--	---------------	---

使用路径

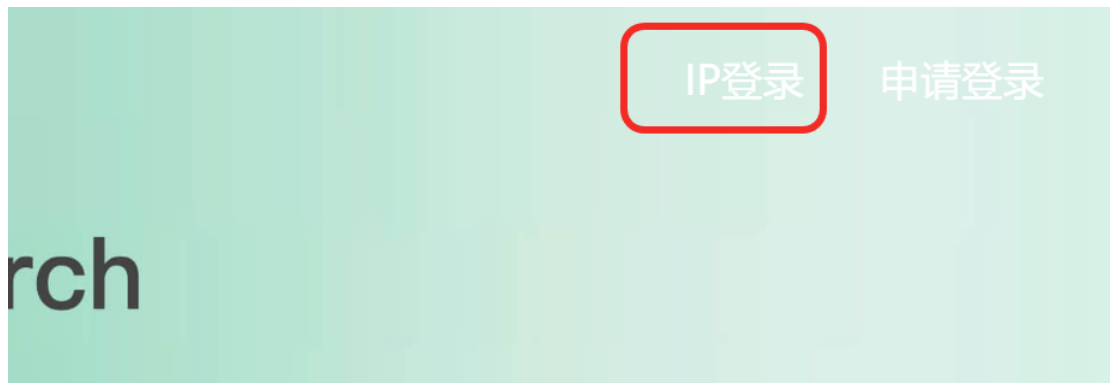
您可以通过以下路径访问我们的科研工具平台：

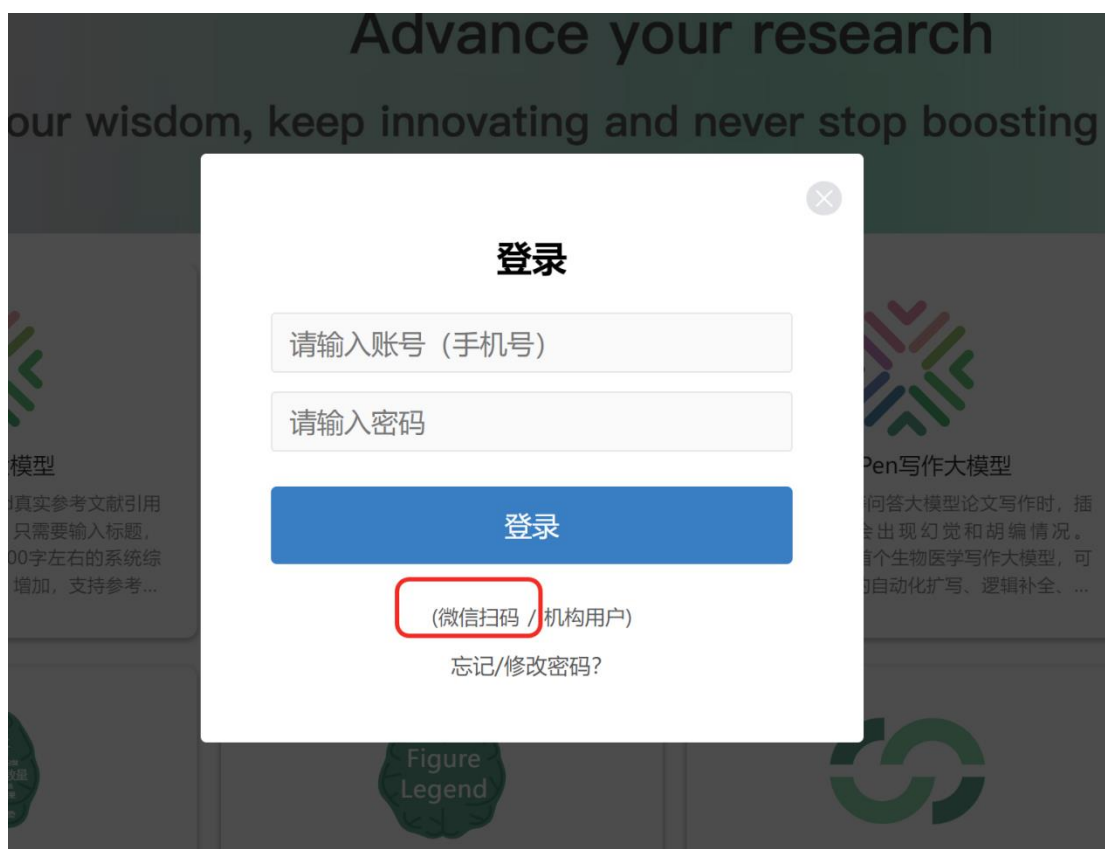
<https://professional.home-for-researchers.com/org/tongji>

使用方法

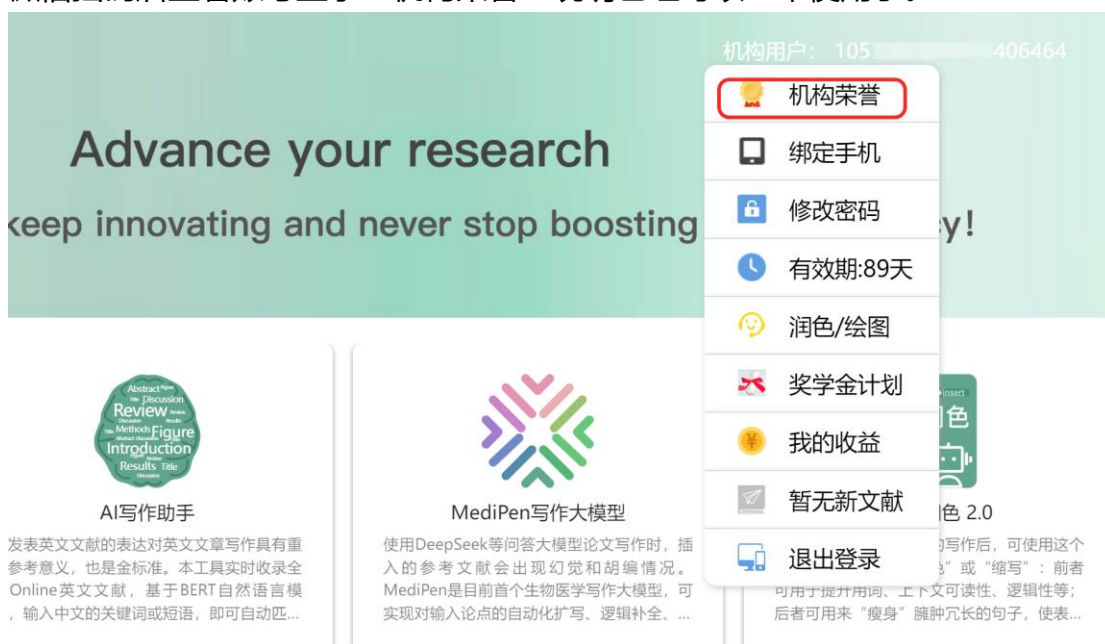
在机构 IP 范围内使用

1. **首次登录：**打开页面点击 IP 登陆后会自动识别到机构名称，点击确定，点击首页右上角的机构登录，点击微信扫码，扫码后也可以选择绑定手机。在个人中心看到是“荣誉会员”就说明绑定好单位的权限了。





微信扫码后查看账号显示“机构荣誉”说明已经可以正常使用了。



2. 选择工具：登录后，您将看到平台首页的工具列表。

点击您需要使用的工具模块，如“文章写作辅助系统”、“期刊查询系统”等。

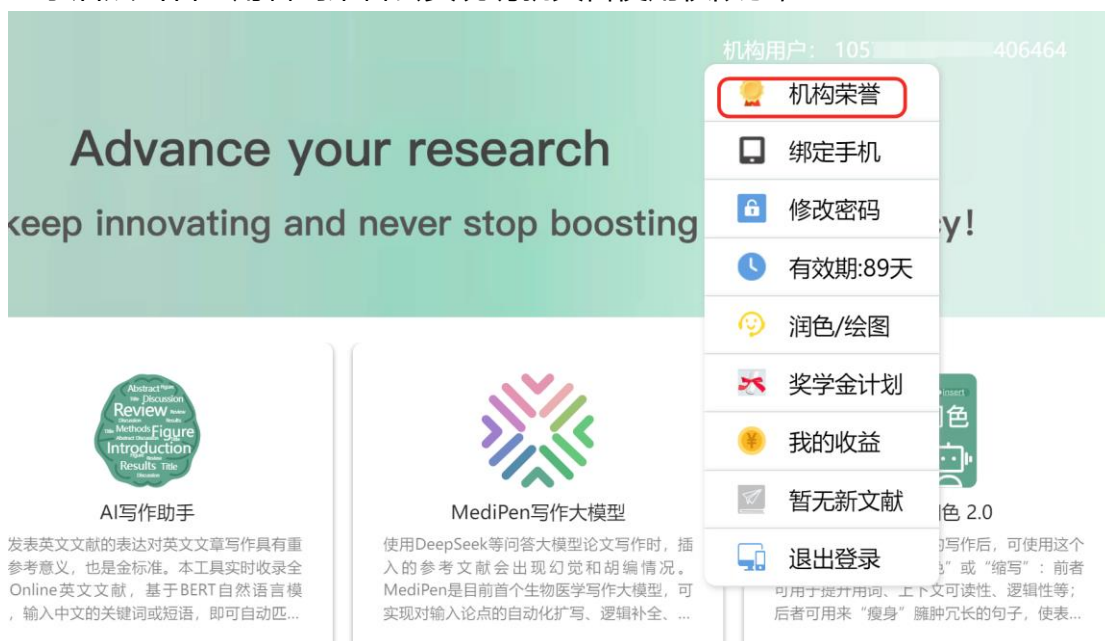
3. 操作指南：每个工具模块内均提供详细的操作指南和使用教程，也可点击[链接](#)进入教程文档，查看详细的操作步骤和示例，更多帮助可访问左侧“风禾课堂”。



4.在线支持：如在使用过程中遇到任何问题，您可以通过弹框二维码添加工具客服人员获取帮助支持。

权限确认

登录后点击右上角看到荣誉会员说明就具备使用权限了，



视频教程

每个产品均有视频教程

反馈与建议

我们非常重视您的使用体验和反馈。试用过程中如有任何意见或建议，欢迎通过以下方式与我们联系：

汪磊 17620359925

感谢您的支持与配合，期待您的反馈和建议！

祝科研顺利！

同济大学

2026年9月11日